

平成23年度 生体超分子複合体ビームライン共同利用研究課題 採択課題一覧

| No. | 実験課題  | 実験責任者            | 実験責任者所属                    |
|-----|---|------------------|----------------------------|
| 1   | 好熱性光合成細菌由来の光捕集反応中心複合体の構造解析                        | 大友 征宇            | 茨城大学<br>理学部                |
| 2   | コラーゲン三重らせん構造の安定化機構                                | 川口 辰也            | 大阪大学大学院<br>理学研究科           |
| 3   | 細胞品質管理に関わる蛋白質ジスルフィド結合形成・開裂因子の構造生物学                | 稲葉 謙次            | 九州大学<br>生体防御医学研究所          |
| 4   | 腸球菌のフェロモンGBAPと受容体膜タンパク質FsrCとの複合体の結晶構造解析           | 永田 宏次            | 東京大学大学院<br>農学生命科学研究科       |
| 5   | V型ATPaseの結晶構造解析                                   | 三木 邦夫            | 京都大学大学院<br>理学研究科           |
| 6   | 光化学系II膜蛋白質複合体の結晶に対するX線損傷低減データ収集とその構造解析            | 神谷 信夫            | 大阪市立大学<br>複合先端研究機構         |
| 7   | クランプローダーRFCのX線結晶構造解析                              | 大山 拓次            | 大阪大学<br>蛋白質研究所             |
| 8   | 寄生虫蛋白質のX線構造解析                                     | 原田 繁春            | 京都工芸繊維大学大学院<br>工学科学研究科     |
| 9   | ユビキチンプロテアソーム蛋白質分解経路の構造解析                          | 水島 恒裕            | 名古屋市立大学大学院<br>薬学研究科        |
| 10  | 薬剤排出ポンプの基質結合型結晶構造解析                               | 中島 良介            | 大阪大学<br>産業科学研究所            |
| 11  | エンドサイトーシス受容体および細胞接着受容体の機能メカニズムの解明                 | 高木 淳一            | 大阪大学<br>蛋白質研究所             |
| 12  | インフルエンザウイルスRNAポリメラーゼの構造解析                         | 朴 三用             | 横浜市立大学<br>生命ナノシステム科学研究科    |
| 13  | 時を生み出す藍藻時計タンパク質群の構造生物学                            | 秋山 修志            | 名古屋大学大学院<br>理学研究科          |
| 14  | T R A Fに関わるシグナル伝達機構の構造生物学的研究                      | 山縣 ゆり子           | 熊本大学大学院<br>生命科学研究部         |
| 15  | Campylobacter Jejuni のべん毛フック蛋白質FlgEの構造機能解析        | ファデル<br>アレクシ サマテ | 沖縄科学技術研究基盤整備機構             |
| 16  | 植物特異的な転写制御因子の構造解析                                 | 平野 良憲            | 奈良先端科学技術大学院大学<br>情報科学研究科   |
| 17  | 無脊椎動物巨大ヘモグロビン協同性の構造基盤                             | 三木 邦夫            | 京都大学大学院<br>理学研究科           |
| 18  | [NiFe] ヒドロゲナーゼ成熟化因子のX線結晶構造解析                      | 庄村 康人            | 兵庫県立大学大学院<br>生命理学研究科       |
| 19  | ヒトスクレオソームリモデリング複合体のX線結晶構造解析                       | 津中 康央            | 大阪大学<br>蛋白質研究所             |
| 20  | 脊椎動物キネトコア複合体 CENP-T/W, CENP-S/XのX線結晶構造解析          | 西野 達哉            | 国立遺伝学研究所<br>分子遺伝研究部門       |
| 21  | 酸化還元酵素における分子間電子移動メカニズムの解析                         | 野尻 正樹            | 大阪大学大学院<br>理学研究科           |
| 22  | 酵母由来26Sプロテアソームおよび関連タンパク質の結晶構造解析                   | 森本 幸生            | 京都大学<br>原子炉実験所             |
| 23  | 細菌情報伝達タンパク質のX線結晶構造解析とそのシグナル伝達機構の解明                | 岡島 俊英            | 大阪大学<br>産業科学研究所            |
| 24  | Asn残基に糖鎖を転移するオリゴ糖転移酵素の反応機構の解明                     | 神田 大輔            | 九州大学<br>生体防御医学研究所          |
| 25  | RecQファミリーヘリカーゼのX線結晶解析                             | 北野 健             | 奈良先端科学技術大学院大学<br>情報科学研究科   |
| 26  | Wnt シグナル伝達を制御するタンパク質群の構造学的研究                      | 寺脇 慎一            | 群馬大学大学院<br>工学研究科           |
| 27  | A T P合成酵素の立体構造                                    | 白木原 康雄           | 国立遺伝学研究所                   |
| 28  | リボ核タンパク質複合体酵素・RNase Pの結晶構造解析                      | 木村 誠             | 九州大学大学院<br>農学研究科           |
| 29  | DNA複製と共役した酸化DNAグリコシラーゼの修復機構の構造学的基盤                | 中村 照也            | 熊本大学大学院<br>生命科学研究部         |
| 30  | 膜構造を制御するマルチドメイン蛋白質の構造機能解析                         | 藤原 芳江            | 大阪大学<br>蛋白質研究所             |
| 31  | タンパク質相互作用によるカルビンサイクル調節メカニズムの解明                    | 松村 浩由            | 大阪大学大学院<br>工学研究科           |
| 32  | ヒト血清蛋白質のバリエーション間における薬物結合選択性の構造学的基盤                | 中村 照也            | 熊本大学大学院<br>生命科学研究部         |
| 33  | 卵白タンパク質の構造変化の分子論                                  | 三上 文三            | 京都大学大学院<br>農学研究科           |
| 34  | 毛髪キューティクル細胞内金属イオン恒常性維持に関わるPAD3-S100A3蛋白質複合体系の構造解析 | 海野 昌喜            | 茨城大学<br>フロンティア応用原子科学研究センター |

平成23年度 生体超分子複合体ビームライン共同利用研究課題 採択課題一覧

| No. | 実 験 課 題  | 実験責任者         | 実験責任者所属                               |
|-----|--|---------------|---------------------------------------|
| 35  | メタゲノム法により単離したコンポスト由来新規酵素の結晶構造解析  | 金谷 茂則         | 大阪大学大学院<br>工学研究科                      |
| 36  | コラーゲンペプチターゼP2-B のX線結晶構造解析  | 中野 博明         | 兵庫医療大学<br>薬学部                         |
| 37  | ヒト由来キナーゼのX線結晶構造解析  | 木下 誉富         | 大阪府立大学大学院<br>理学系研究科                   |
| 38  | 微生物由来酵素群の工業的利用を目指した構造研究  | 柴田 直樹         | 兵庫県立大学大学院<br>生命理学研究科                  |
| 39  | ダイズタンパク質11S形成機構の解明   | 三上 文三         | 京都大学大学院<br>農学研究科                      |
| 40  | グルタチオン転移酵素の立体構造解析  | 山本 幸治         | 九州大学大学院<br>農学研究科                      |
| 41  | 胃がん遺伝子産生タンパク質RegIVの結晶構造  | 片柳 克夫         | 広島大学大学院<br>理学研究科                      |
| 42  | 産業利用につながる耐熱性酵素の結晶構造解析  | 中村 卓          | 長浜バイオ大学<br>バイオサイエンス学部                 |
| 43  | ニトロフォルリンの結晶構造に基づく配位子結合機構の解明  | 青山 浩          | 大阪大学大学院<br>薬学研究科                      |
| 44  | アーキア由来の超耐熱性セルラーゼリグニン複合体の精密構造解析   | 石川 一彦         | 独立行政法人産業技術総合研究所                       |
| 45  | 極限生物の抗酸化蛋白質や産業用酵素の反応メカニズムに関する構造学的解明  | 上垣 浩一         | 独立行政法人産業技術総合研究所                       |
| 46  | ヒトスクレオチド分解酵素・基質複合体の超高分解能X線構造解析   | 山縣 ゆり子        | 熊本大学大学院<br>生命科学研究部                    |
| 47  | 生理活性ペプチド前駆体タンパク質の構造解析  | 山口 宏          | 関西学院大学<br>理工学部                        |
| 48  | 感染症に関わる細菌由来毒素タンパク質の構造生物学的研究  | 北所 健悟         | 京都工芸繊維大学                              |
| 49  | 宇宙環境を利用した蛋白質結晶の放射光X線回折による評価  | 太田 和夫         | 宇宙航空研究開発機構宇宙環境利用センター                  |
| 50  | 細菌情報伝達系Wak/WalRファミリータンパク質と阻害剤との共結晶化による阻害機構解明   | 内海 龍太郎        | 近畿大学<br>農学部                           |
| 51  | 酵素反応の多次元自由エネルギー解析  | 村川 武志         | 大阪医科大学<br>医学部                         |
| 52  | Elucidating the molecular and structural basis of Wnt signaling regulation at the cell surface | Kim, Kyun-Jin | Pohang Accelerator Laboratory/POSTECH |