

2021年度 AMED BINDS セミナー

日時：2022年1月21日（金）開催形式： ZOOM 参加費無料

参加登録サイト：<https://forms.gle/jK1aPmWy4RASMPUdA>
(QRコードからもアクセス可能です。)



14:00-14:10	はじめに	善光 龍哉 (日本医療研究開発機構)
14:10-14:15	阪大蛋白研の高難度組換え蛋白質生産と構造解析	高木 淳一 (阪大・蛋白研)
14:15-14:35	高難度組換え蛋白質生産と構造解析の支援・高度化・今後の展望	有森 貴夫 (阪大・蛋白研)
14:35-15:00	血液凝固第XII因子の活性調節における糖鎖修飾の役割	相川 京子 (お茶大・理)
15:00-15:05	阪大蛋白研のX線ビームラインと結晶構造解析	中川 敦史 (阪大・蛋白研)
15:05-15:25	X線結晶構造解析の支援・高度化・今後の展望	山下 栄樹 (阪大・蛋白研)
15:25-15:50	mTORC1のリソソーム膜アンカー； Ragulatorの構造と機能	名田 茂之 (阪大・微研)
16:00-16:05	阪大蛋白研のクライオ電顕	加藤 貴之 (阪大・蛋白研)
16:05-16:25	クライオ電顕解析による支援・高度化・今後の展望	廣瀬 未果 (阪大・蛋白研)
16:25-16:50	新型コロナウイルスに対する中和抗体と感染増強抗体	荒瀬 尚 (阪大・微研)
16:50-17:00	阪大蛋白研のNMR・固体NMRの高度化	藤原 敏道 (阪大・蛋白研)
17:00-17:15	NMRによる蛋白質構造解析とリガンドスクリーニングの 支援・高度化・今後の展望	杉木 俊彦 (阪大・蛋白研)
17:15-17:40	Fv-claspと ¹⁹ F-NMRを用いた終末糖化産物 (AGE) の 一種であるGA-pyridineに対する抗体 (73MuL9) の 抗原認識機構に関する研究	小橋川 敬博 (熊本大・薬)
17:40-18:00	阪大蛋白研の構造解析ビッグデータのデータベース運用 と研究ツール開発	栗栖 源嗣 (阪大・蛋白研)
18:00-18:10	総評	井上 豪
18:10-18:20	おわりに	中川 敦史 (阪大・蛋白研)